

Statistische Software (R)

Paul Fink, M.Sc.

Institut für Statistik
Ludwig-Maximilians-Universität München

Datensatz-Aufbereitung



chickwts: Datensatz über das Gewicht in *Gramm* von 71 Küken, gefüttert mit 6 verschiedenen Beimischungen

ges: Vektor des Geschlechts der Küken (selbst gebaut)

Erzeugung der notwendigen Variablen

```
> data <- chickwts
> ges <- factor(sample(c("m", "f"), size = 71, replace = TRUE))
```

Übersicht über Variablennamen im Datensatz:

```
> names(data)
[1] "weight" "feed"
```

Paul Fink: Statistische Software (R) SoSe 2015

2

Zugriff auf Variablen in `data.frame`

- Listenzugriff mit Name der Variable

```
data$weight
```

- Matrixzugriff mit Name der Variable

```
data[, "weight"]
```

- Matrixzugriff mit Index der Variable

```
data[, 1]
```

Vorteil von Matrixzugriff: Man kann auch mehrere Variablen gleichzeitig herausholen

Zugriff auf bestimmte Beobachtungen

Indizes bekannt: Matrixzugriff mit Indizes

```
data[c(1, 4, 20), ]
```

Indizes unbekannt: Beobachtungen nach Kriterien finden

- Matrixzugriff:

```
data[data$feed == "casein", ]
```

- Funktion `subset()`:

```
subset(data, feed == "casein")
```

<code>==, !=</code>	gleich, ungleich
<code>>, >=</code>	größer, größer gleich
<code><, <=</code>	kleiner, kleiner gleich
<code>!</code>	Negation (nicht)
<hr/>	
<code>&, &&</code>	und
<code> , </code>	oder
<code>xor()</code>	entweder oder (ausschließend)
<hr/>	
<code>TRUE, T</code>	wahr
<code>FALSE, F</code>	falsch

Nur '&&' und '||' sind **nicht** vektorwertig.

Befehlssyntax:

```
subset(Data.frame-Objekt, Kriterium an Variablen)
```

Beispiele:

```
subset(data, feed == "casein")
subset(data, feed %in% c("casein", "linseed"))
subset(data, (feed == "casein") & (weight > 240))
```

Spät Schreibarbeit bei komplizierteren Kriterien

Variablen aus `data.frame` löschen

Neue Variablen hinzufügen

- Listenzugriff:

```
data$gender <- ges
```

- `data.frame()` Funktion:

```
data <- data.frame(data, ges)
```

- `cbind()` Funktion:

```
data <- cbind(data, ges)
```

- Matrixzugriff:

```
data[, 3] <- ges
```

`length(ges) < nrow(data) ==>` Recycling-Regel

Achtung: Bestehende Variablen werden überschrieben!

- Listenzugriff:

```
data$gender <- NULL
```

- Mit Matrixzugriff herausfiltern

```
data <- data[, -3]
```

Vorgehen anhand von Beispiel:

Das Gewicht soll in *kg* umgewandelt werden

```
# 1. Variable aus data.frame in Hilfsobjekt speichern
h <- data[,"weight"]
# 2. Aenderungen am Hilfsobjekt durchfuehren
h <- h / 1000
# 3. Hilfsobjekt als Variable in data.frame aufnehmen
data[,"weight"] <- h
```

oder einfacher:

```
# Alle Schritte laufen intern ab
data <- transform(data, weight = weight / 1000)
```

Aufgaben

1. Lesen Sie den Datensatz *nba.asc* aus dem Datenarchiv des Instituts für Statistik (<http://www.statistik.lmu.de/service/datenarchiv/nba/nba.html>) in R ein als `data.frame` mit Namen *nba*.
2. Wandeln Sie die Variable *Datum* in den Datentyp `date` um
3. Berechnen Sie *hdiff* als neue Variable in *nba* die Differenz der erzielten Punkte der Auswärtsmannschaft von der Heimmannschaft
4. Berechnen Sie die binäre Variable *siegh* in *nba*, die angibt, ob die Heimmannschaft gewonnen hat (1: Sieg, 0: Niederlage)

Beobachtungen der Größe nach ordnen:

```
daten[,order(V1, V2, usw. )]
```

`daten` wird nach *V1* geordnet, wenn Werte gleich, dann nach *V2*, usw.

Beobachtungen aggregieren:

```
aggregate(zuaggVar ~ nachFaktorVar, FUN =
Funktion, data = daten)
```

Zum Beispiel für das Gruppenmittel die Funktion `mean()`.

Schreibarbeit sparen:

```
with(daten, ... )
```

Innerhalb von ... stehen einem direkt die Variablennamen von `daten` zur Verfügung